

Espansione di una sequenza esanucleotidica nel gene C9ORF72 in un paziente FTD con un fenotipo a esordio precoce e rapida ingravescenza

**VI Convegno “Il contributo delle Unità di Valutazione
Alzheimer nell’assistenza dei pazienti con demenza”**

16 Novembre 2012 – Istituto Superiore di Sanità - Roma

Paola Piscopo

*Dipartimento di Biologia Cellulare e Neuroscienze
Istituto Superiore di Sanità*

A Hexanucleotide Repeat Expansion in C9ORF72 Is the Cause of Chromosome 9p21-Linked ALS-FTD

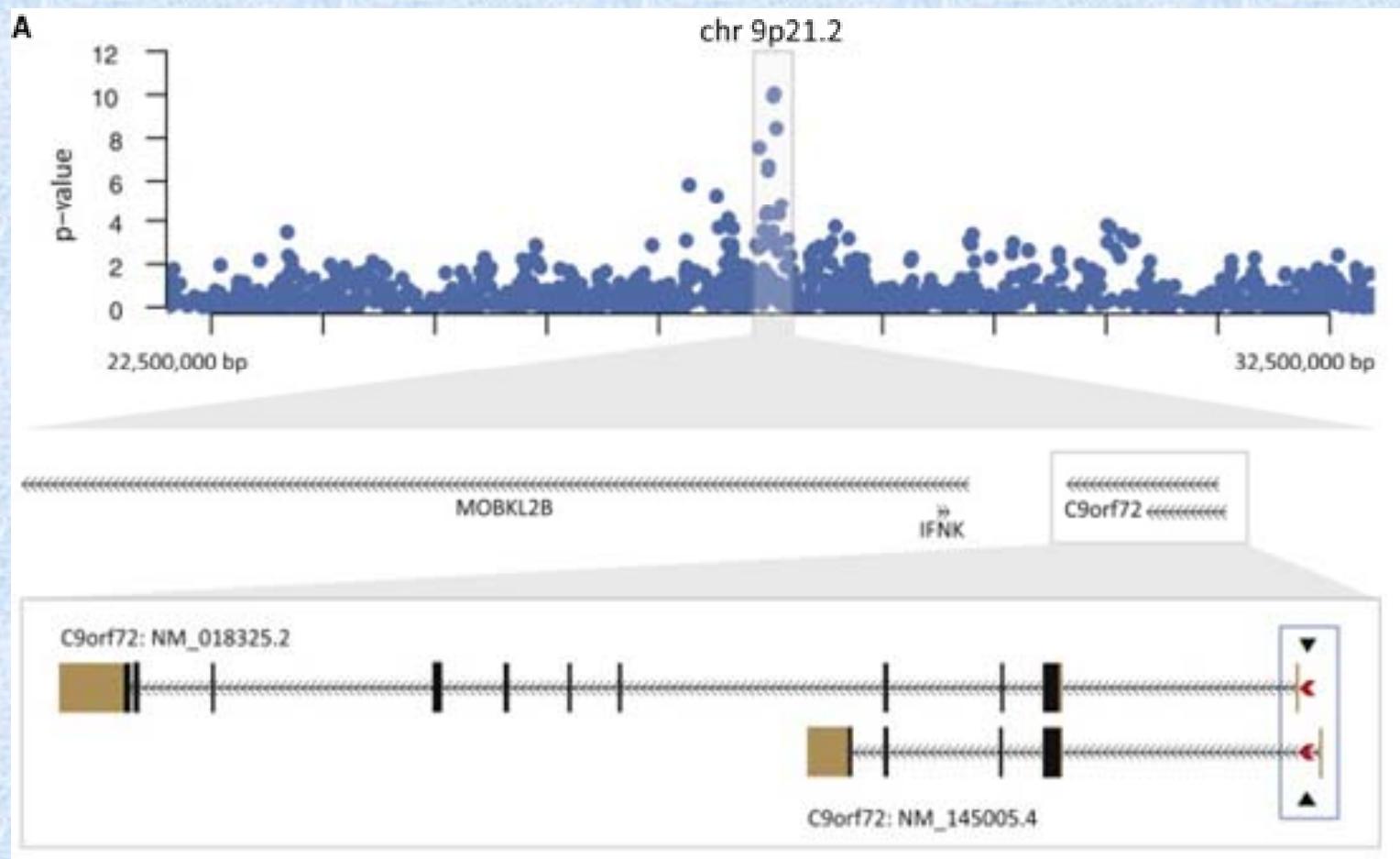
Alan E. Renton,^{1,38} Elisa Majounie,^{2,38} Adrian Waite,^{3,38} Javier Simón-Sánchez,^{4,5,38} Sara Rollinson,^{6,38} J. Raphael Gibbs,^{7,8,38} Jennifer C. Schymick,^{1,38} Hannu Laaksovirta,^{9,38} John C. van Swieten,^{4,5,38} Liisa Myllykangas,¹⁰ Hannu Kalimo,¹⁰ Anders Paetau,¹⁰ Yevgeniya Abramzon,¹ Anne M. Remes,¹¹ Alice Kaganovich,¹² Sonja W. Scholz,^{2,13,14} Jamie Duckworth,⁷ Jinhuai Ding,⁷ Daniel W. Harmer,¹⁵ Dena G. Hernandez,^{2,8} Janel O. Johnson,^{1,8} Kin Mok,⁸ Mina Ryten,⁸ Danyah Trabzuni,⁸ Rita J. Guerreiro,⁸ Richard W. Orrell,¹⁶ James Neal,¹⁷ Alex Murray,¹⁸ Justin Pearson,³ Iris E. Jansen,⁴ David Sonderman,⁴ Harro Seelaar,⁵ Derek Blake,³ Kate Young,⁶ Nicola Halliwell,⁶ Janis Bennion Callister,⁶ Greg Toulson,⁶ Anna Richardson,¹⁹ Alex Gerhard,¹⁹ Julie Snowden,¹⁹ David Mann,¹⁹ David Neary,¹⁹ Michael A. Nalls,² Terhi Peuralinna,⁹ Lilia Jansson,⁹ Veli-Matti Isoviita,⁹ Anna-Lotta Kaivorinne,¹¹ Maarit Hölttä-Vuori,²⁰ Elina Ikonen,²⁰ Raimo Sulkava,²¹ Michael Benatar,²² Joanne Wuu,²³ Adriano Chiò,²⁴ Gabriella Restagno,²⁵ Giuseppe Borghero,²⁶ Mario Sabatelli,²⁷ The ITALSGEN Consortium,²⁸ David Heckerman,²⁹ Ekaterina Rogueva,³⁰ Lorne Zinman,³¹ Jeffrey D. Rothstein,¹⁴ Michael Sendtner,³² Carsten Drepper,³² Evan E. Eichler,³³ Can Alkan,³³ Ziedulla Abdullaev,³⁴ Svetlana D. Pack,³⁴ Amalia Dutra,³⁵ Evgenia Pak,³⁵ John Hardy,⁸ Andrew Singleton,² Nigel M. Williams,^{3,38} Peter Heutink,^{4,38} Stuart Pickering-Brown,^{6,38} Huw R. Morris,^{3,36,37,38} Pentti J. Tienari,^{9,38} and Bryan J. Traynor^{1,14,38,*}

Neuron. 2011 October 20; 72(2): 245–256. doi:10.1016/j.neuron.2011.09.011.

Expanded GGGGCC hexanucleotide repeat in non-coding region of C9ORF72 causes chromosome 9p-linked frontotemporal dementia and amyotrophic lateral sclerosis

Mariely DeJesus-Hernandez^{1,10}, Ian R. Mackenzie^{2,10,*}, Bradley F. Boeve³, Adam L. Boxer⁴, Matt Baker¹, Nicola J. Rutherford¹, Alexandra M. Nicholson¹, Nicole A. Finch¹, Heather Flynn Gilmer⁵, Jennifer Adamson¹, Naomi Kouri¹, Aleksandra Wojtas¹, Pheth Sengdy⁶, Ging-Yuek R. Hsiung⁶, Anna Karydas⁴, William W. Seeley⁴, Keith A. Josephs³, Giovanni Coppola⁷, Daniel H. Geschwind⁷, Zbigniew K. Wszolek⁸, Howard Feldman^{6,9}, David Knopman³, Ronald Petersen³, Bruce L. Miller⁴, Dennis Dickson¹, Kevin Boylan⁸, Neill Graff-Radford⁸, and Rosa Rademakers^{1,*}

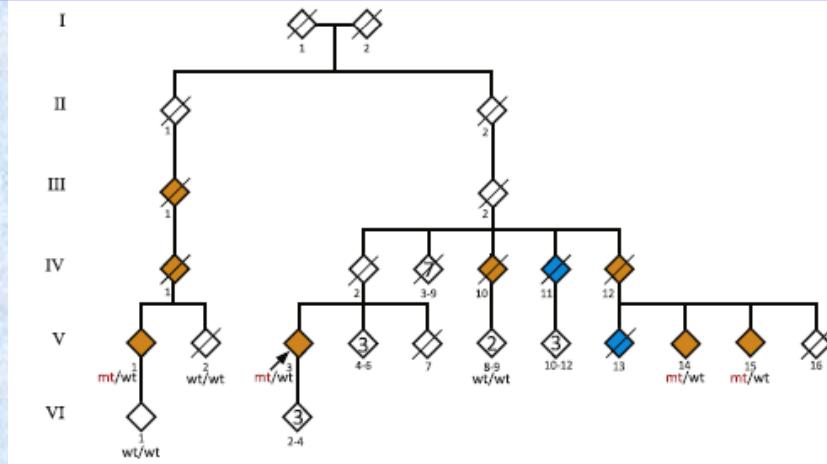
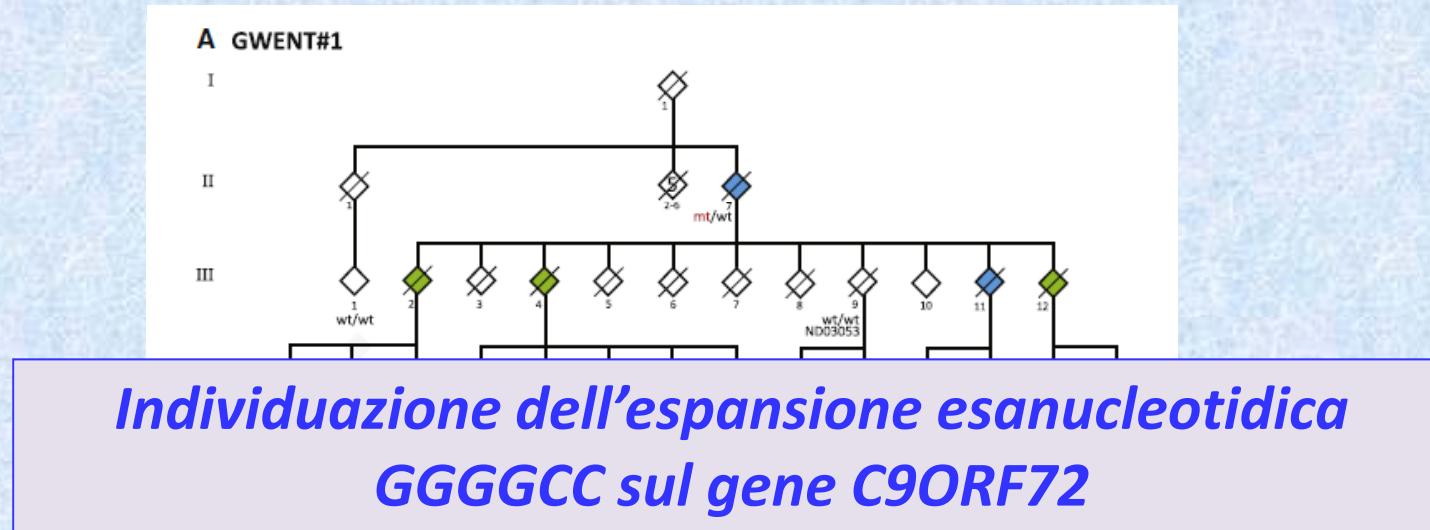
Associazione tra il locus 9p21 e l'ALS/FTD



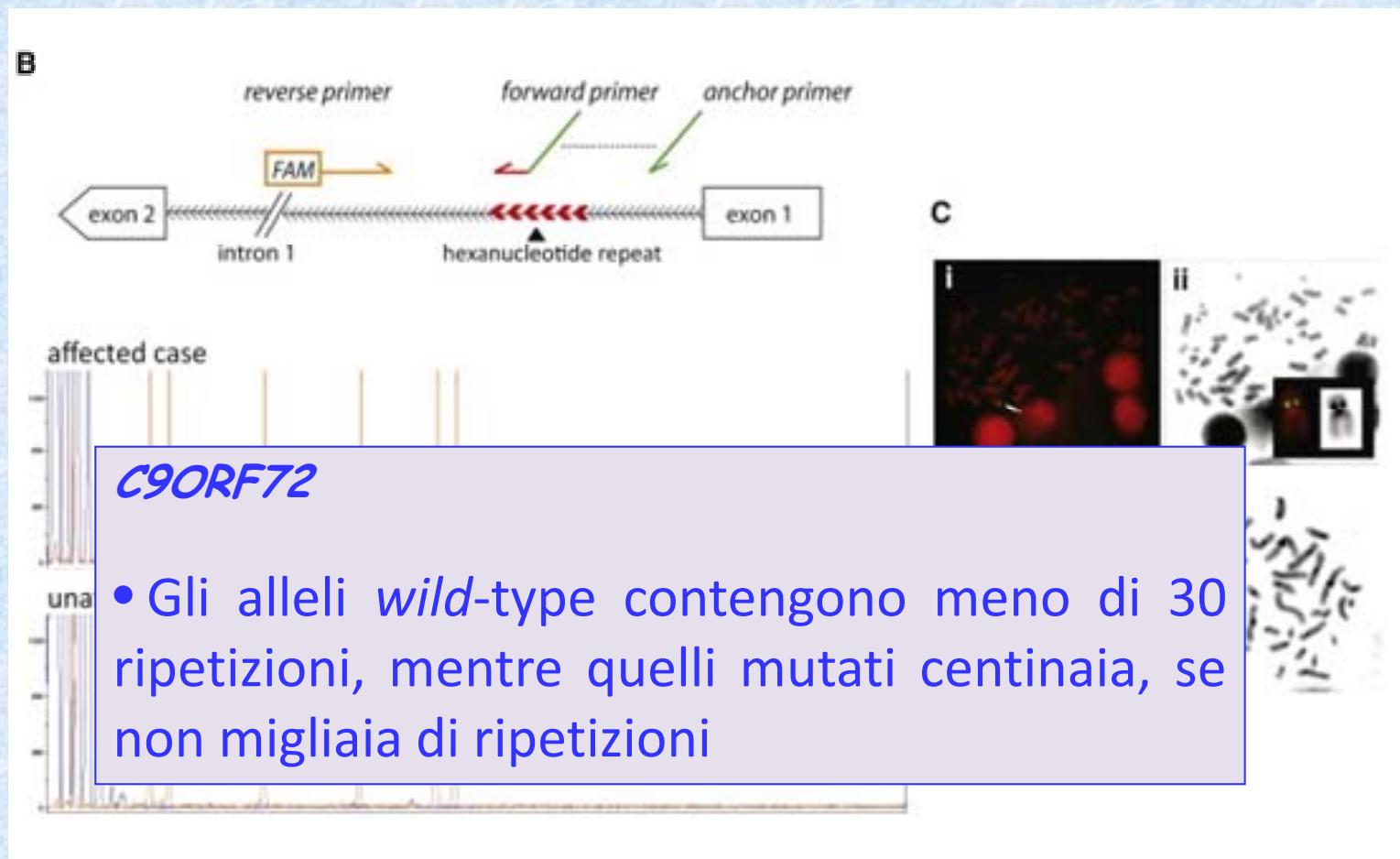
Laaksovirta et al., 2010

Risequenziamento (NGS) della regione 9p21

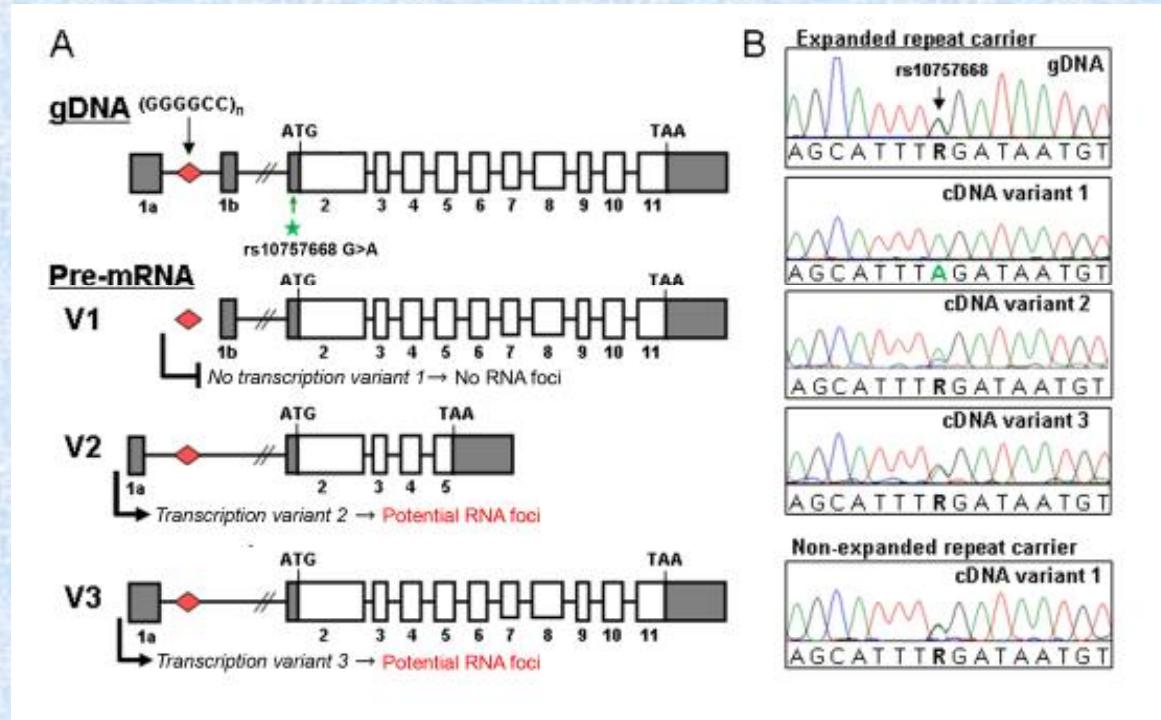
in pazienti e controlli appartenenti a due grandi famiglie



Metodo di screening dell'espansione esanucleotidica



Analisi trascrizionale



Questa mutazione causerebbe meccanismi multipli di malattia inclusi un effetto diretto sulla trascrizione (loss-of-function) e un meccanismo “gain-of-function” che porta alla generazione di focus di RNA nucleari tossici

Studi precedenti

DeJesus-Hernandez M et al. 2011

fFTLD	12%
fALS	22.5%

Sabatelli et al., 2012

Italia	sALS	3.7%
Sardegna	sALS	6.8%

Renton et al. 2011

Finlandia	
fALS	46%
sALS	21.1%
FTLD	29.3%

Chiò et al. 2012

ALS: 11%

Van der Zee et al. Novembre 2012

Metanalisi (n= 2688)
FTLD: 9.98%
Sweden: 20.73%
Spain: 25.49%
Germany: 4.82%

Scopo del lavoro

Screening dell'espansione esanucleotidica
sul gene C9ORF72 in una popolazione
italiana di pazienti affetti da FTLD

Strutture partecipanti allo studio

Department of Phatophysiology and Transplatiation, University of Milan,
Fondazione Cà Granda, IRCCS Ospedale Policlinico, Milan, Italy

Centro Regionale di Neurogenetica, ASP Catanzaro, Lamezia Terme (CZ), Italy
University of Florence, Florence, Italy

Ospedale S. Raffaele Turro, Milan, Italy

Vita Salute University, S. Raffaele Hospital, Milan, Italy

IRCCS Multimedica, Milan, Italy

University of Turin, Turin, Italy

Istituto Superiore di Sanità, Rome, Italy

University “Sapienza”, Rome, Italy

Clinica Neurologica I, Dipartimento di Neuroscienze, Padova, Italy

University of Milan, Ospedale Sacco, Milan, Italy

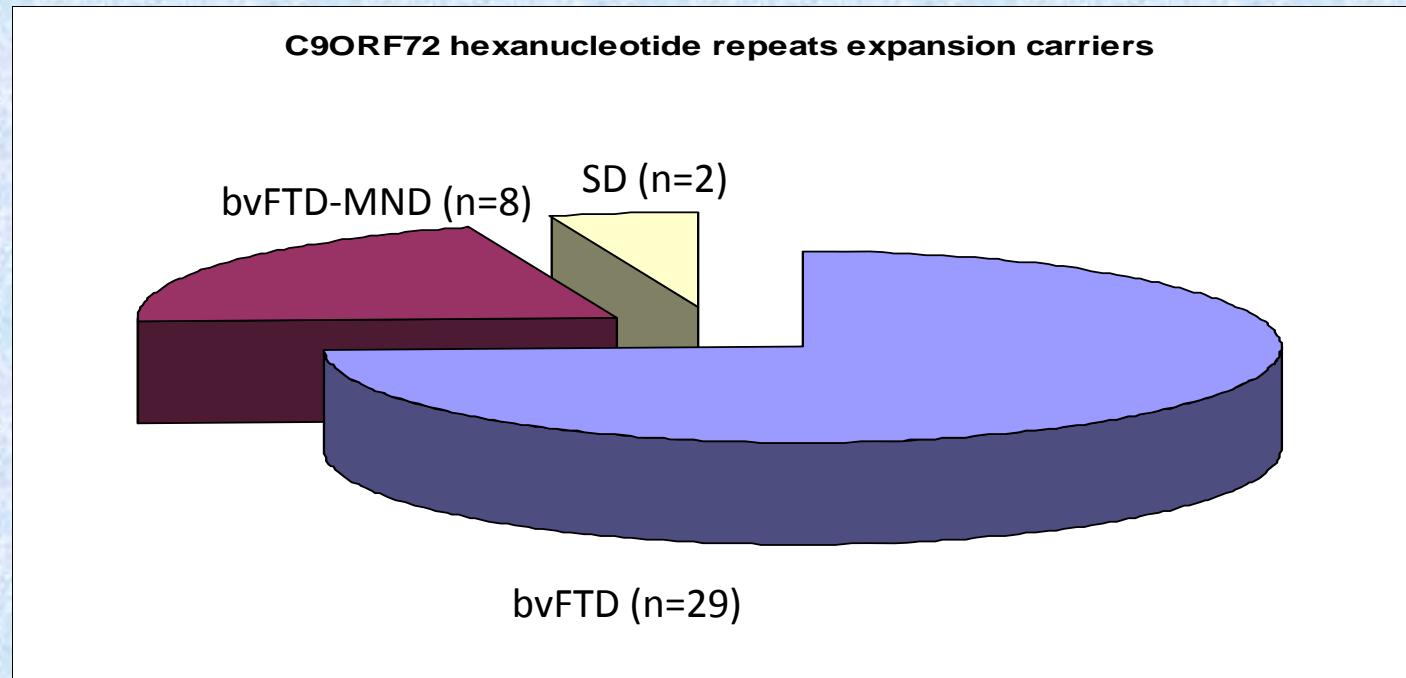
Soggetti arruolati nello studio

	FTLD	CBS	PSP	CTRL
All (numbers)	651	21	31	222
Age at evaluation	66.2±8.6	64.3±7.4	61.2±7.4	67.8±9.3
Sex (Male/Female)	311/340	7/14	16/15	92/130

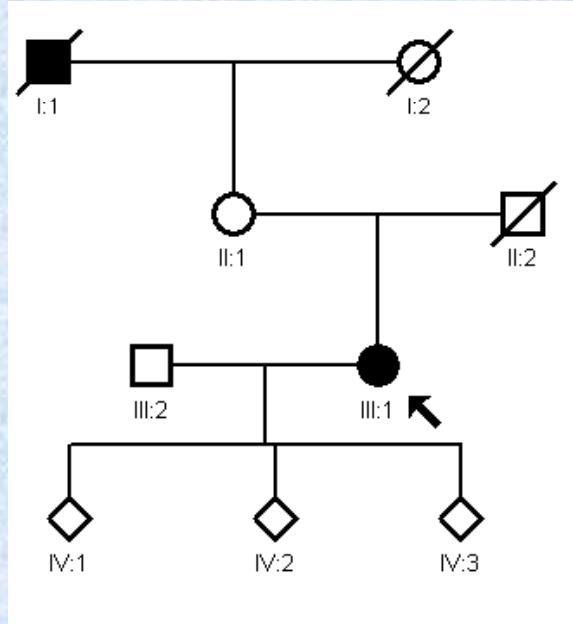
Frequenza della mutazione C9ORF72 nella nostra popolazione

39 FTLD (17 maschi e 22 femmine): 6%

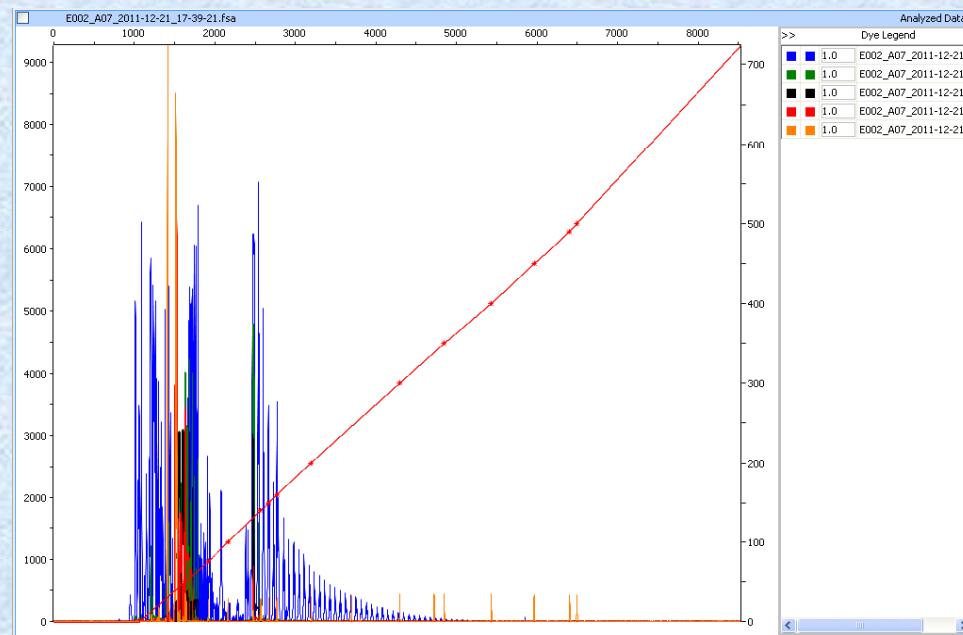
Nessuna mutazione sui CBS, PSP e controlli



Espansione di una sequenza esanucleotidica nel gene C9ORF72 in un paziente FTD con un fenotipo a esordio precoce e rapida ingravescenza



Repeat-Primed PCR e sequenziamento.



Probando

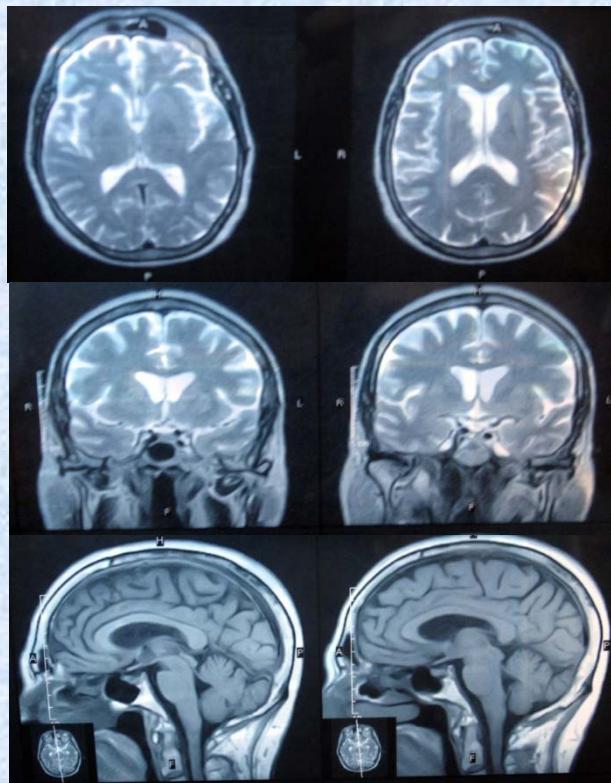
- Il paziente all'età di 60 anni sviluppava un disturbo dell'umore caratterizzato da apatia, astinenza sociale, irritabilità.
- Dopo due anni il paziente lamentava deficit della memoria verbale a breve termine e di attenzione oltre ad un disordine di tipo ossessivo-compulsivo. La valutazione neuropsicologica indicava un deficit nelle funzioni esecutive con valore di MMSE di 26/30. Al paziente veniva quindi prescritta una terapia con AchE-I senza ottenere alcun beneficio.
- il paziente dopo un anno mostrava un rapido peggioramento dei sintomi comportamentali e neurocognitivi. L'esame neuropsicologico riportava un MMSE deteriorato con valori di 20/30.
- Successivamente il soggetto evidenziò un peggioramento dei sintomi comportamentali con sviluppo di aggressività e mancanza di empatia con un MMSE di 15/30.



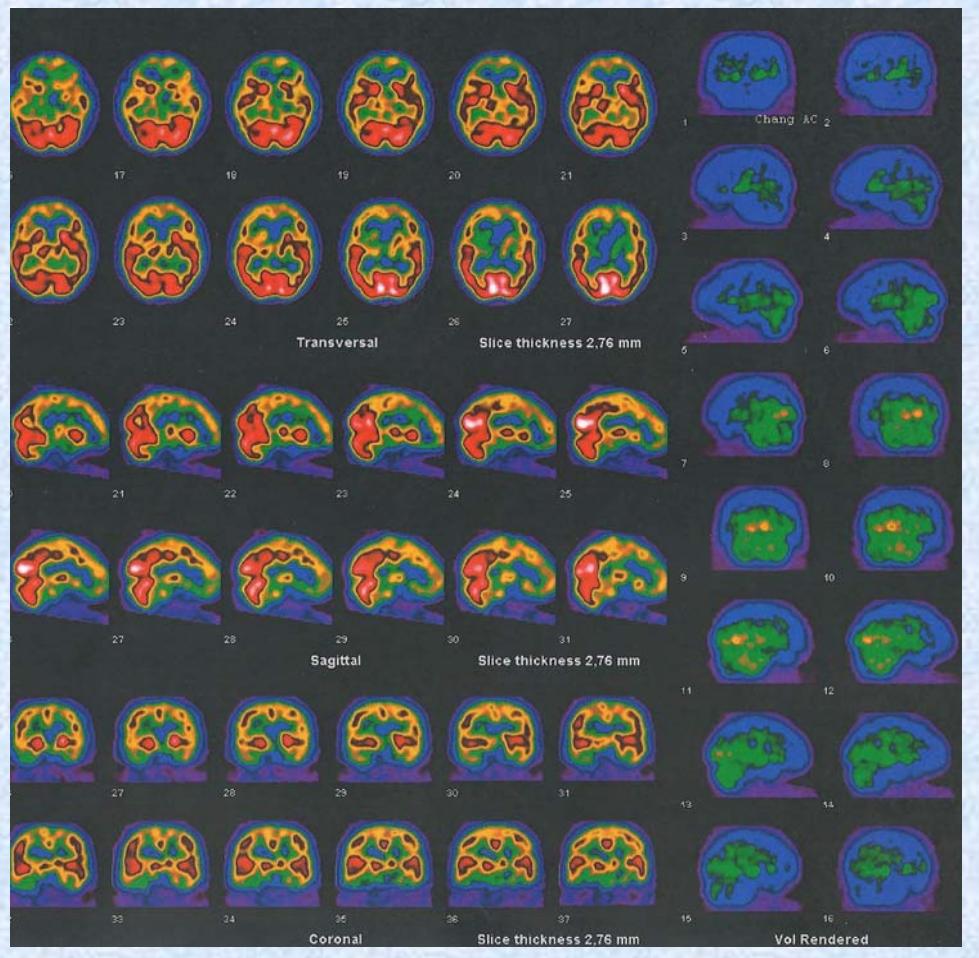
Espansione di una sequenza esanucleotidica nel gene C9ORF72 in un paziente FTD con un fenotipo a esordio precoce e rapida ingravescenza



MRI: atrofia frontale



SPECT: ipometabolismo dell'area destra prefrontale e delle aree bilaterali temporali



Conclusioni

Lo studio da noi condotto evidenzia la storia clinica di un paziente con mutazione sul gene *C9ORF72* associata allo sviluppo di una bvFTD e caratterizzata da una rapida ingravescenza dei sintomi comportamentali e cognitivi.

RINGRAZIAMENTI



Istituto Superiore di Sanità

**Annamaria Confaloni
Alessio Crestini
Roberto Rivabene
Malvezzi-Campeggi
Nicola Vanacore**



Università di Milano
**Daniela Galimberti
Elio Scarpini**



***Policlinico Umberto I
Clinica della memoria***

**Giuseppe Bruno
Giuseppina Talarico
Giuseppe Tosto
Marco Canevelli
Marina Gasparini**